

**Biologie, mathématiques, informatique: BMI 2013 - 2eme année**

**Lauréats**

Porteur	Titre du projet	Intitulé Laboratoire	Code Unité	Ville	Institut
JACOB Laurent	Identification d'isoformes des gènes du développement de la crête neurale dans les données de RNA-Seq via l'utilisation d'algorithmes de flot.	Biométrie et biologie évolutive	UMR5558	VILLEURBANNE	INEE
MALFAIT Nicole	Caractérisation multimodale des déficits sensori-moteurs Post-AVC	Institut de Neurosciences de la Timone	UMR7289	MARSEILLE	INSB
THOMAS-VASLIN Veronique	Immune System Data Dynamics exploration through Automatic Literature Mining Exploration des données de la dynamique du système immunitaire par la fouille automatique de données de la littérature scientifique	Immunologie, immunopathologie, immunothérapeutique	UMR7211	PARIS	INSB
CHIPOT Christophe	Outils théoriques pour la description de grandes transitions conformationnelles dans les protéines membranaires	Structure et Réactivité des Systèmes Moléculaires Complexes	UMR7565	VANDOEUVRE LES NANCY	INC
DIDIER Gilles	Identification des modules fonctionnels impliqués dans un trait complexe grâce à l'intégration de multiples graphes d'interaction biologique	Institut de mathématiques de Luminy	FRE3529	MARSEILLE	INSMI
BIRMELE Etienne	Comparaison de Réseaux de régulation par Enumération de PERTurbations.	Laboratoire de Mathématiques et Modélisation d'Evry	UMR8071	EVRY	INSMI
DEPAULIS Frantz	Scan Génomique de la Sélection, approche Phylogénétique, traitement de la Recombinaison ; applications au polymorphisme Viral d'infections humaines	Ecologie et évolution	UMR7625	PARIS	INEE
RIVAS Susana	Vers la modélisation mathématique du réseau transcriptionnel contrôlé par MYB30, un facteur de transcription associé à la réponse de défense chez Arabidopsis thaliana	Laboratoire des interactions plantes micro-organismes	UMR2594	CASTANET TOLOSAN	INSB
DELORD Bruno	Automatisation comportementale, chunking et plasticité synaptique corticostriatale	Institut des Systèmes Intelligents et Robotiques	UMR7222	PARIS	INS2I
LOPEZ Philippe	Détection de domaines fonctionnels dans les protéines par des méthodes de graphes d'intervalles	Evolution Paris Seine	UMR7138	NICE	INEE
PARDI Fabio	DINPHYN : Distance-based INference of PHYlogenetic Networks	Laboratoire d'informatique, de robotique et de microélectronique de Montpellier	UMR5506	MONTPELLIER	INS2I
KILAVIK Bjørg Elisabeth	Characterizing the laminar profile of motor cortical oscillatory synchronization during visuomotor behavior with new analysis tools	Institut de Neurosciences de la Timone	UMR7289	MARSEILLE	INSB
SEPULCHRE Jacques-Alexandre	Approche de biologie systémique pour le recyclage de la biomasse: le cas de figure de la décomposition de la pectine en galacturonate.	Institut non linéaire de Nice Sophia Antipolis	UMR7335	VALBONNE	INP
JEAN Géraldine	Intégration de données métaboliques et transcriptomiques pour l'identification de gènes du risque de Mort Subite Cardiaque	Laboratoire d'Informatique de Nantes Atlantique	UMR6241	NANTES	INS2I
VALLAT Laurent	Modélisation mathématique de processus biologiques complexes: intervention dirigée dans un programme génique cancéreux.		U1109	STRASBOURG	
LAUNAY Guillaume	Réseau dynamique d'interactions : données multi-valuées, modélisation multi-échelles et visualisation	Bases moléculaires et structurales des systèmes infectieux	UMR5086	LYON	INSB
CARPENTIER Mathilde	Recherche in silico de séquences virales dans des métagénomés : identification de virus et de séquences cellulaires potentiellement transduites	Institut de Minéralogie, de Physique des Matériaux et de Cosmochimie	UMR7590	PARIS	INP
SAND OLIVER	Algorithmes pour l'alignement des lectures et la découverte de variants dans les projets de reséquençage	Génomique et maladies métaboliques	UMR8199	LILLE	INSB